

ペプチドマッピング(チトクロム C)

Tryptic digest of Cytochrome C

たんぱく質を同定する方法の1つに、ペプチドマッピングと呼ばれる手法があります。タンパク質をトリプシンなどの酵素で分解し、得られたペプチドを HPLC や LC/MS で一斉分析し、そのクロマトグラムやマススペクトルなどから同定する方法です。今回はチトクロム C をトリプシンによって酵素消化し、得られたペプチドを HPLC によって一斉分析しました。**L-column ODS** は理論段数が高く、分離がよく、完全にエンドキャップされており、充填剤へ吸着が少ないため、微量タンパク質のペプチドマッピングに最適です。

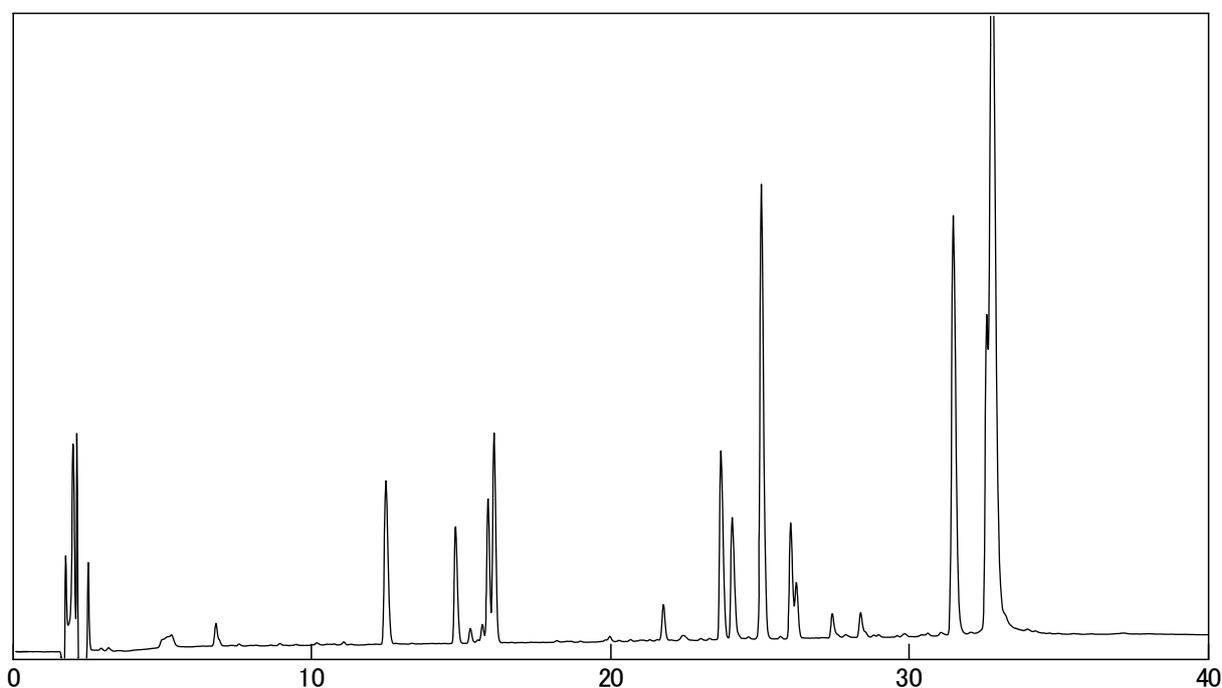


Fig. Chromatogram of Tryptic digest of Cytochrom C.

【Analytical conditions】

Column: **L-column ODS**(C18, 5 μ m, 12 nm) 4.6 mm I.D. \times 150 mm L.
Mobile phase: A: 0.1% TFA in CH₃CN; B: 0.1% TFA in H₂O
A/B, 5/95 \rightarrow 60/40 \rightarrow 60/40 (0 \rightarrow 35 \rightarrow 40 min)
Flow rate: 1 mL/min
Temperature: 40°C
Detection: UV 215 nm
Injection volume: 20 μ L
System: -