

## ペプチドマッピング(チトクロム C)

### Tryptic digest of Cytochrome C

たんぱく質を同定する方法の1つに、ペプチドマッピングと呼ばれる手法があります。タンパク質をトリプシンなどの酵素で分解し、得られたペプチドを HPLC や LC/MS で一斉分析し、そのクロマトグラムやマススペクトルなどから同定する方法です。今回はチトクロム C をトリプシンによって酵素消化し、得られたペプチドを HPLC によって一斉分析しました。カラムは細孔径が 30 nm の **L-column ODS-P** を用いました。**L-column ODS** と同様、完全にエンドキャップされており、充填剤へ吸着が少ないため、微量タンパク質のペプチドマッピングに最適です。

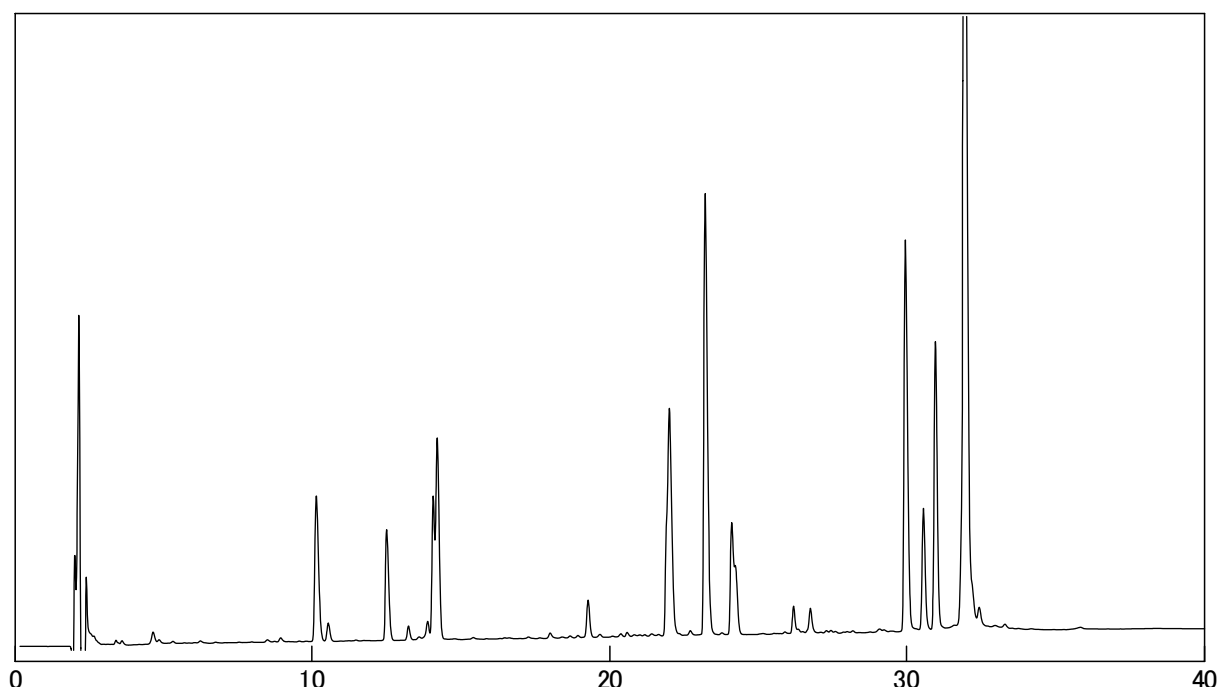


Fig. Chromatogram of Tryptic digest of Cytochrome C.

#### 【Analytical conditions】

Column: **L-column ODS-P**(C18, 5  $\mu$ m, 30 nm) 4.6 mm I.D.  $\times$  150 mm L.  
 Mobile phase: A: 0.1% TFA in CH<sub>3</sub>CN; B: 0.1% TFA in H<sub>2</sub>O  
 A/B, 5/95 $\rightarrow$ 60/40 $\rightarrow$ 60/40(0 $\rightarrow$ 35 $\rightarrow$ 40 min)  
 Flow rate: 1 mL/min  
 Temperature: 40°C  
 Detection: UV 215 nm  
 Injection volume: 20  $\mu$ L  
 System: -